

FER_CAPAA/1-97 1 -----S-----V-----SATMI-----STSFMP-----RKPAVTS-----L-----KPIPNVGE-----ALFGLKS-----A-----NCGKVT-----CMASYK 4
FER_CAPAN/1-144 1 MA-----SISGTMISTSFMP-----RKPAVTS-----L-----KAI SNVGE-----ALFGLKS-----G-----RNGRIT-----CMASYK 51
FER1_SOLLC/1-144 1 MA-----SISGTMISTSFMP-----RKPAVTS-----L-----KAI SNVGE-----ALFGLKS-----G-----RNGRIT-----CMASYK 51
Q93XJ9_SOLTU/1-144 1 MA-----SISGTMISTSFMP-----RKPAVTS-----L-----KAI SNVGE-----ALFGLKS-----G-----RNGRIT-----CMASYK 51
FER1_PEA/1-149 1 MAT-----P-----ALYGTAVSTSFMP-----RTPM-----SV-----TT-----TKAFSN-----G-----FLGLKT-----SLKR-----GDLAVAMASYK 56
Q7XA98_TRIPR/1-152 1 MAT-----P-----ALYGTAVSTSFMP-----RTPM-----SV-----AT-----TTTTKAFP-----S-----GFLGLKS-----VSTK-----R-----GDLAVAMATYK 59
FER1_MESCR/1-148 1 MAAT-----TAALSGATMSTAFAPK-----TPPMT-----AALPTNVGR-----ALFGLKS-----SASR-----GRVT-----AMAAYK 55
FER1_SPIOL/1-147 1 MAAT-----TTTMMG-----MATT-----FV-----PK-----PQAP-----MMAAL-----P-----SNTGR-----S-----LFGLKT-----G-----SR-----GGRMT-----MAAYK 54
FER3_RAPSA/1-96 1 -----S-----V-----SATMI-----STSFMP-----RKPAVTS-----L-----KPIPNVGE-----ALFGLKS-----A-----NCGKVT-----CMASYK 4
FER1_ARATH/1-148 1 MAST-----ALSSAIVGTSFIRRS-----PAPISL-----RSLP-----SANTQ-----S-----LFGLKS-----G-----TAR-----GGRVT-----AMATYK 56
FER_BRANA/1-96 1 -----S-----V-----SATMI-----STSFMP-----RKPAVTS-----L-----KPIPNVGE-----ALFGLKS-----A-----NCGKVT-----CMASYK 4
FER2_ARATH/1-148 1 MAST-----ALSSAIVGTSFIRRS-----PAPISL-----RSLP-----FANTQ-----S-----LFGLKS-----S-----TAR-----GGRVT-----AMATYK 56
Q93Z60_ARATH/1-118 1 MAST-----ALSSAIVGTSFIRRS-----PAPISL-----RSLP-----FANTQ-----S-----LFGLKS-----S-----TAR-----GGRVT-----AMATYK 56
FER1_MAIZE/1-150 1 MATV-----L-----G-----SP-----RAP-----AF-----FF-----SSSS-----LRAAP-----APTAV-----AL-----PAAKV-----G-----IMGRSA-----SSR-----R-----RLRAQATYN 56
O80429_MAIZE/1-140 1 MAAT-----ALSM-----SILR-----APPP-----CFSS-----PLRLRV-----AVAK-----P-----LA-----AP-----MR-----RQL-----LRAQATYN 48

Conservation



Quality



Consensus



FER_CAPAA/1-97 5 VKLITP-----DGP-----I-----EFDCPDDVY-----ILDQAE-----EAGH-----DLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----IAGG-----AVDQT-----DGN-----FLDDD 67
FER_CAPAN/1-144 52 VKLITP-----DGP-----I-----EFDCPDDVY-----ILDQAE-----EAGH-----DLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----IAGG-----AVDQT-----DGN-----FLDDD 114
FER1_SOLLC/1-144 52 VKLITP-----EGP-----I-----EFDCPDDVY-----ILDQAE-----EAGH-----DLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----TAG-----S-----VDQS-----DGN-----FLDDD 114
Q93XJ9_SOLTU/1-144 52 VKLITP-----DGP-----I-----EFDCPDDVY-----ILDQAE-----EAGH-----DLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----TAG-----T-----VDQS-----DGK-----FLDDD 114
FER1_PEA/1-149 57 VKLV-----TP-----DGTQ-----EF-----ECP-----SDVY-----ILDH-----AE-----EV-----GIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VG-----G-----VDQS-----DGS-----FLDDE 119
Q7XA98_TRIPR/1-152 60 VKLITP-----EGP-----Q-----EFDCPDDVY-----ILDH-----AE-----EV-----GIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VNG-----N-----V-----N-----Q-----EDGS-----FLDDE 122
FER1_MESCR/1-148 56 VTLV-----TP-----EGKQ-----EL-----ECP-----DDVY-----ILDAA-----E-----AGIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----TS-----G-----SVN-----Q-----DDGS-----FLDDD 118
FER1_SPIOL/1-147 55 VTLV-----TP-----T-----GNV-----EF-----Q-----CP-----DDVY-----ILDAA-----E-----E-----GIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----L-----KT-----G-----LN-----Q-----DDQS-----FLDDD 117
FER3_RAPSA/1-96 5 VKFITP-----EGEQ-----E-----VE-----C-----DDVY-----V-----LDAA-----E-----E-----AGIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----VDQS-----DQS-----FLDDD 67
FER1_ARATH/1-148 57 VKFITP-----EGEL-----E-----VE-----C-----DDVY-----V-----LDAA-----E-----E-----AGIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----VDQS-----DQS-----FLDDE 119
FER_BRANA/1-96 5 VKFITP-----EGEQ-----E-----VE-----C-----DDVY-----V-----LDAA-----E-----E-----AGIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----F-----V-----DQS-----DES-----FLDDD 67
FER2_ARATH/1-148 57 VKFITP-----EGEQ-----E-----VE-----C-----EDVY-----V-----LDAA-----E-----E-----AGLDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----IDQS-----DQS-----FLDDE 119
Q93Z60_ARATH/1-118 57 VKFITP-----EGEQ-----E-----VE-----C-----EDVY-----V-----LDAA-----E-----E-----AGLDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----IDQS-----DQS-----FLDD- 118
FER1_MAIZE/1-150 57 VKLITP-----EGEV-----E-----L-----Q-----V-----P-----DDVY-----ILDQAE-----E-----D-----GIDLPY-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----VDQS-----DQS-----SY-----LDDG 119
O80429_MAIZE/1-140 49 VKLITP-----EGEV-----E-----L-----Q-----V-----P-----DDVY-----ILDF-----AE-----E-----GIDLP-----F-----SCRAGS-----C-----SSCAGK-----V-----VS-----G-----S-----VDQS-----DQS-----FL-----NDN 111

Conservation



Quality



Consensus

